

Actualité

1,1

C'est le nombre, en milliard, de structures tridimensionnelles de protéines calculées par le dernier modèle d'IA de Biohub, créé par Mark Zuckerberg et sa femme, Priscilla Chan. L'outil, présenté le 27 mai, convertit les séquences d'acides aminés, les maillons qui constituent les protéines, en une forme tridimensionnelle permettant d'anticiper les fonctions de ces molécules, ou leurs modifications à la suite de liaisons avec d'autres entités (peptides, médicaments, anticorps...). Le modèle, ESMFold, est un concurrent d'AlphaFold, dont les inventeurs avaient reçu le prix Nobel de chimie en 2024. Il augmente de plus de 800 millions le nombre de structures disponibles. En mai, la start-up Isomorphic Labs, créée par Demis Hassabis, l'un des récipiendaires du Nobel, avait levé 2,1 milliards de dollars (1,8 milliard d'euros) avec la promesse que la connaissance des formes des protéines aiderait au développement de médicaments.

